**Groupe 1 : Sang 2012 2013**

**Des connaissances indispensables :**

Le patrimoine génétique d’un individu est défini par l’ensemble de ses molécules d’ADN qui sont stockés dans toutes ses cellules à l’intérieur des **noyaux cellulaires**.

La molécule d’ADN a la forme d’une double hélice, c'est-à-dire deux brins enroulés l’un autour de l’autre.

Chaque brin d’ADN est constitué d’une suite de **nucléotides** (des petites molécules) parmi les quatre suivants : **A (Adénine), C (Cytosine), T (Thymine), G (Guanine).**

Deux individus pour une séquence d’ADN donnée, peuvent avoir des séquences légèrement différentes qu’on appelle des **allèles différents.**

*Vous pouvez maintenant utiliser le logiciel anagène pour réaliser les comparaisons des séquences d’ADN extraites des taches de sang de la scène de crime. Toutes les séquences présentées correspondent à un gène donné afin de permettre la comparaison.*

*Ouvrez le thème d’étude MPS Scène 1 Sang 2012 2013.*

*Utilisez la fiche d’aide d’Anagène pour comprendre comment utiliser le logiciel.*

**Groupe 1 : Sang 2012 2013**

**Des connaissances indispensables :**

Le patrimoine génétique d’un individu est défini par l’ensemble de ses molécules d’ADN qui sont stockés dans toutes ses cellules à l’intérieur des **noyaux cellulaires**.

La molécule d’ADN a la forme d’une double hélice, c'est-à-dire deux brins enroulés l’un autour de l’autre.

Chaque brin d’ADN est constitué d’une suite de **nucléotides** (des petites molécules) parmi les quatre suivants : **A (Adénine), C (Cytosine), T (Thymine), G (Guanine).**

Deux individus pour une séquence d’ADN donnée, peuvent avoir des séquences légèrement différentes qu’on appelle des **allèles différents.**

*Vous pouvez maintenant utiliser le logiciel anagène pour réaliser les comparaisons des séquences d’ADN extraites des taches de sang de la scène de crime. Toutes les séquences présentées correspondent à un gène donné afin de permettre la comparaison.*

*Ouvrez le thème d’étude MPS Scène 1 Sang 2012 2013.*

*Utilisez la fiche d’aide d’Anagène pour comprendre comment utiliser le logiciel.*

**Groupe 1 : Sang 2012 2013**

**Des connaissances indispensables :**

Le patrimoine génétique d’un individu est défini par l’ensemble de ses molécules d’ADN qui sont stockés dans toutes ses cellules à l’intérieur des **noyaux cellulaires**.

La molécule d’ADN a la forme d’une double hélice, c'est-à-dire deux brins enroulés l’un autour de l’autre.

Chaque brin d’ADN est constitué d’une suite de **nucléotides** (des petites molécules) parmi les quatre suivants : **A (Adénine), C (Cytosine), T (Thymine), G (Guanine).**

Deux individus pour une séquence d’ADN donnée, peuvent avoir des séquences légèrement différentes qu’on appelle des **allèles différents.**

*Vous pouvez maintenant utiliser le logiciel anagène pour réaliser les comparaisons des séquences d’ADN extraites des taches de sang de la scène de crime. Toutes les séquences présentées correspondent à un gène donné afin de permettre la comparaison.*

*Ouvrez le thème d’étude MPS Scène 1 Sang 2012 2013.*

*Utilisez la fiche d’aide d’Anagène pour comprendre comment utiliser le logiciel.*